1. Koper

1.1 Koper

Officiële naam:	Universitair Medisch Centrum Utrecht

2. Procedure

2.1 Procedure

Titel:	Vrijwillige transparantie software voor analyseren en interpreteren data voor Next Generation Sequencing
Beschrijving:	De afdeling Genetica is voornemens om tot aanschaf van een door Genoox geleverd softwarepakket "Franklin" over te gaan. Dit ter vervanging van het huidige door Agilent geleverde softwarepakket Allisa Interpret. Dit softwarepakket wordt eind 2024 niet meer ondersteund door Agilent. Er is dus dringende noodzaak om een overstap te maken naar een geschikt alternatief. De software wordt gebruikt voor het analyseren en interpreteren van door Next Generation Sequencing (NGS) verkregen data ten behoeve van patiënten met een mogelijk genetisch defect in hun genoom. Het borgen van de genetische zorgtaken van de afdeling Genetica en hiervoor binnen de sectie ontwikkelde werkwijzen staat hierbij voorop. De opdracht bestaat in totaal uit aanschaf van het product, raamovereenkomst, inclusief gebruikslicenties en onderhoudscontract.
Identificatiecode van de procedure:	516281f5-686e-486a-923a-666b12b5c255
Interne identificatiecode:	24EA014
Type procedure:	Onderhandelingsprocedure zonder voorafgaande oproep tot mededinging

2.1.1 Doel

Aard van het contract :	Leveringen
Belangrijkste classificatie (cpv):	48180000 Medische software

2.1.2 Plaats van uitvoering

Land:	Nederland

Overal in het desbetreffende land

Aanvullende informatie:	Zie documentatie

2.1.4 Algemene informatie

Rechtsgrondslag:

Richtlijn 2014/24/EU

5. Perceel

5.1 Technische ID van het kavel: LOT-0000

Titel:	Vrijwillige transparantie software voor analyseren en interpreteren data voor Next Generation Sequencing
Beschrijving:	De afdeling Genetica is voornemens om tot aanschaf van een door Genoox geleverd softwarepakket "Franklin" over te gaan. Dit ter vervanging van het huidige door Agilent geleverde softwarepakket Allisa Interpret. Dit softwarepakket wordt eind 2024 niet meer ondersteund door Agilent. Er is dus dringende noodzaak om een overstap te maken naar een geschikt alternatief. De software wordt gebruikt voor het analyseren en interpreteren van door Next Generation Sequencing (NGS) verkregen data ten behoeve van patiënten met een mogelijk genetisch defect in hun genoom. Het borgen van de genetische zorgtaken van de afdeling Genetica en hiervoor binnen de sectie ontwikkelde werkwijzen staat hierbij voorop. De opdracht bestaat in totaal uit aanschaf van het product, raamovereenkomst, inclusief gebruikslicenties en onderhoudscontract.
Interne identificatiecode:	24EA014

5.1.1 Doel

Rijksoverheid

Aard van het contract :	Leveringen
Belangrijkste classificatie (cpv):	48180000 Medische software

5.1.2 Plaats van uitvoering

Land:	Nederland

Overal in het desbetreffende land

Aanvullende informatie:	Zie documentatie

5.1.6 Algemene informatie

Aanbestedingsproject dat niet uit EU-fondsen wordt gefinancierd

De aanbesteding valt onder de Overeenkomst inzake overheidsopdrachten (GPA):	ja

5.1.16 Nadere inlichtingen, bemiddeling en evaluatie

Organisatie voor beroepsprocedures:	Rechtbank Den Haag

6. Resultaten

Waarde van alle contracten toegekend in deze kennisgeving:	633 000 Euro

Onderhandse gunning:

Rechtvaardiging voor onderhandse gunning:	De opdracht kan alleen door een bepaalde ondernemer worden uitgevoerd wegens het ontbreken van mededinging om technische redenen
Andere rechtvaardiging:	De afdeling Genetica heeft een marktverkenning uitgevoerd en daarbij verschillende leveranciers benaderd. Belangrijke voorwaarde is dat de huidige op WES en gen-panel gebaseerde diagnostiek (en die nu met Allissa Interpret wordt geanalyseerd) door het nieuw aan te schaffen pakket kan worden overgenomen. Daarbij is het ook belangrijk om vooruit te kijken naar de nieuwe ontwikkelingen in de genetische diagnostiek van onze sectie. Het nieuwe softwarepakket moet in staat zijn om ook SNP-array's en Genoom-sequencing (WGS) met daarbij behorende analyse op grote aantallen patiënten ondersteunen. In de huidige situatie worden in Agilent Interpret bestanden met varianten (VCF-files) geïmporteerd. De software annoteert, filtert de varianten en rapporteert de (geselecteerde) varianten die als een mogelijke genetische diagnose worden beschouwd. We hebben uitgebreid de markt bevraagd en de aangeboden producten van diverse partijen bekeken. Van verschillende softwarepakketten zijn demonstraties geweest. De marktverkenning omvatte programmatuur/software die de annotatie, classificatie, filtering, prioritering en genetische rapportage van deze varianten verzorgd met als doelstelling; selectie en rapportage van die varianten die als (kandidaat) genetische diagnose beschouwd (zouden) kunnen worden. Uit deze marktconsultatie is gebleken dat er geen andere redelijke alternatieven bestaan om te voorzien in de specifieke vraagbehoefte van het UMC Utrecht. Franklin Genoox voldoet als product aan de meeste de gestelde eisen, terwijl de andere softwareproducten relatief veel van de gevraagde functionaliteit niet of slechts ten dele beschikbaar hebben. Alle partijen geven aan dat ontbrekende eisen en/of functionaliteit op de nominatie staan om ingepast te worden. Omdat het onduidelijk was wanneer en in welke vorm ontbrekende functionaliteit zal worden ingebouwd, hebben we dat niet meegenomen in de overwegingen. Een belangrijk aspect van onze huidige WES-flow in Allisa Interpret is data-visualisatie, in het bijzonder CNV-visualisatie (een functionaliteit die wijzelf hebben gebouwd in de IGV-browser), en de manier van filtering waarbij gebruik gemaakt wordt van custom-annotaties in het vcf-bestand. Het nieuw aan te schaffen softwaresysteem moet

Rijksoverheid

met deze custom-annotaties/functionaliteit kunnen omgaan en CNVs kunnen visualiseren in IGV. Een ander belangrijk aspect is dat het high-throughput WGS-analyses en interpretatie moet ondersteunen (waarbij WGS gebruikt wordt als een “one-test-fits-most” test). WGS vervangt in dit geval de WES, SNP-array, repeat expansie testen en UPD testen. Franklin Genoox is vooralsnog het enige softwarepakket dat het benoemen en interpreteren van deze typen varianten integreert in één enkele analyse. Onze conclusie is dat Franklin (Genoox) voldoet aan vrijwel alle door ons gestelde eisen, het kan omgaan met custom annotatie velden in vcf-bestanden, voorziet in CNV-visualisatie, SNP-array analyse en ondersteund de “one-test-fits-most” benadering. Bovenstaande leidt tot de conclusie dat de mededinging vanwege technische redenen ontbreekt en uitsluitende rechten moeten worden beschermd. Uit de marktverkenning blijkt dat geen andere leverancier voldoet aan de objectief gestelde eisen aan het product. Uit de marktverkenning blijkt voorts dat er geen redelijk alternatief of substituut bestaat om de vraagbehoefte van het UMC Utrecht te vervullen.

6.1 ID resultaat perceel: LOT-0000

6.1.2 Informatie over winnaars

Winnaar:	
Officiële naam:	Genoox Data Systems LTD
Inschrijving:	
Identificatiecode van de inschrijving:	24EA014
Identificatiecode van het perceel of de groep percelen:	LOT-0000
Onderaanneming:	Neen
Waarde onderaanneming is bekend:	neen
Percentage onderaanneming is bekend:	neen
Informatie over het contract:	
Identificatiecode van het contract:	24CONXX
Titel:	Raamovereenkomst softwarepakket Franklin.
Datum waarop de winnaar is gekozen:	01/04/2024
De opdracht wordt gegund in het kader van een raamovereenkomst:	neen

8. Organisaties

8.1 ORG-0001

Officiële naam:	Universitair Medisch Centrum Utrecht
Registratienummer:	30244197
Postadres:	Heidelberglaan 100
Stad:	Utrecht
Postcode:	3584CX
Land:	Nederland
Contactpunt:	Stefan Renee
E-mail:	S.Renee@umcutrecht.nl
Telefoon:	+31 650124864

Rijksoverheid

Kopersprofiel:	https://s2c.mercell.com/buyer/14206

Rollen van deze organisatie:

Koper

8.1 ORG-0002

Officiële naam:	Rechtbank Den Haag
Registratienummer:	82946175
Stad:	Den Haag
Land:	Nederland
Contactpunt:	info
E-mail:	informatiebalie.dhg@rechtspraak.nl
Telefoon:	0883612012

Rollen van deze organisatie:

Organisatie voor beroepsprocedures

8.1 ORG-0003

Officiële naam:	Genoox Data Systems LTD
Omvang van de ondernemer:	Micro, klein of middelgroot
Postadres:	Hachashmonaim Street 100
Stad:	Tel Aviv
Postcode:	66978
Land:	Israël
E-mail:	tom@genoox.com
Telefoon:	+972 50 777 6044

Rollen van deze organisatie:

Inschrijver

Winnaar van deze percelen:	LOT-0000

De winnaar is genoteerd op een gereglementeerde markt

11. Informatie over een aankondiging

11.1 Informatie over een aankondiging

Identificatiecode /versie van de aankondiging:	3a8cfc1c-3283-4804-8208-ca373254b8e6 - 01
Type formulier:	Vooraankondiging onderhandse gunning
Type aankondiging:	Aankondiging in geval van vrijwillige transparantie vooraf
Verzenddatum van de aankondiging:	02/04/2024 10:23 +00:00
Aankondiging datum verzending (eSender) :	02/04/2024 10:26 +00:00
Talen waarin deze aankondiging officieel beschikbaar is:	Nederlands

11.2 Informatie over de bekendmaking

Rijksoverheid